

УДК 575.17: 599.742,712

**НЕИНВАЗИВНАЯ ИНДИВИДУАЛЬНАЯ ИДЕНТИФИКАЦИЯ  
АМУРСКИХ ТИГРОВ (*PANTHERA TIGRIS ALTAICA*)  
МОЛЕКУЛЯРНО-ГЕНЕТИЧЕСКИМИ МЕТОДАМИ**

© 2009 г. В. В. Рожнов, П. А. Сорокин, С. В. Найденко, В. С. Лукаревский,  
Х. А. Эрнандес-Бланко, М. Н. Литвинов, А. К. Котляр, В. Г. Юдин

Представлено академиком Д.С. Павловым 15.07.2009 г.

Поступило 16.07.2009 г.

В рамках Программы изучения амурского тигра на Российском Дальнем Востоке отработана методика неинвазивной индивидуальной идентификации тигров молекулярно-генетическими методами и с ее использованием определены число, пол и родственные связи особей в группировке тигров на территории заповедника “Уссурийский” ДВО РАН. Сопоставление результатов выделения, амплификации и анализа ядерных фрагментов ДНК из различных образцов (кровь, шерсть и экскременты) показало значительное их сходство по длинам микросателлитных фрагментов ДНК. Это свидетельствует о возможности использования экскрементов и шерсти, собранных в местах обитания амурского тигра, для неинвазивной индивидуальной идентификации этих животных.

Амурский тигр (*P. tigris altaica*) имеет самый северный и географически удаленный от других материковых подвидов ареал. В результате этого он достаточно долгое время находится в изоляции [1]. Именно долгую изоляцию и катастрофическое падение численности под воздействием антропогенных факторов рассматривают в качестве причин очень низкого генетического разнообразия современной популяции амурского тигра. Анализ изменчивых фрагментов митохондриальной и микросателлитной ДНК выявил самую низкую из всех подвидов тигра изменчивость [2, 3].

---

*Институт проблем экологии и эволюции*

*им. А.Н. Северцова*

*Российской Академии наук, Москва*

*Государственный природный заповедник “Уссурийский”*

*им. В.Л. Комарова Дальневосточного отделения*

*Российской Академии наук, Уссурийск*

*Биолого-почвенный институт*

*Дальневосточного отделения*

*Российской Академии наук, Владивосток*